

## ارائه مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل برای شیوع سوئمصرف مواد مخدر

سید حمید حسینی<sup>۱</sup>، ابوالفضل تاری مرزآباد<sup>۲</sup>، مجید حسن پور عزتی<sup>۳</sup>

تاریخ دریافت: ۱۳۹۴/۱۰/۱۶ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۵/۰۶/۲۹

### چکیده

**هدف:** شیوع مصرف مواد مخدر امروزه از جمله مشکلاتی است که به شدت رو به افزایش است و بر کنش‌های اجتماعی افراد معتاد بر دیگر نفرات جامعه مستگی دارد. هدف این پژوهش ارائه یک مدل پیوسته ریاضی با استفاده از معادله انتگرال-دیفرانسیل برای مسئله شیوع سوئمصرف مواد مخدر در بین نفرات یک جامعه مفروض می‌باشد. **روش:** ساختارهای ارتباطی که در شبکه‌ها و سیستم‌های گستته در میان اعضای یک مجموعه مفروض وجود دارند، می‌تواند به یک مدل شبکه‌ای گستته و درنهایت به یک مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل در حالت پیوسته منتهی شود. در این پژوهش مصرف کنندگان مواد مخدر و میزان پاکی و سلامت آن‌ها با درنظر گرفتن تأثیر نفرات دیگر جامعه بررسی شده است. **یافته‌ها:** در این مقاله، علاوه بر ارائه مدل‌های گستته ساده برای مسئله شیوع مصرف مواد مخدر، مدل جایگزین جدیدی به همراه مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل معرفی می‌کنیم که از سکون و اینرسی موجود در مدل‌های قدیمی در شیوع مصرف در بین افراد جامعه دوری می‌کند. **نتیجه‌گیری:** تحلیل‌هایی بر روی مدل‌های شبکه‌ای گستته برای مسئله شیوع سوئمصرف مواد مخدر در یک جامعه مفروض انجام شد و معادله‌ای ریاضی برای روند انتشار سوئمصرف مواد مخدر با درنظر گرفتن انعطاف‌پذیری نفرات و اثر گذاری افراد معتاد بر دیگران ارائه شد.

### کلیدواژه‌ها: مدل ریاضی، وابستگی به مواد مخدر، شیوع

\* این طرح با حمایت مالی ستاد مبارزه با مواد مخدر ریاست جمهوری انجام شده است.

۱. نویسنده مسئول: دانشجوی کارشناسی ارشد ریاضی کاربردی، دانشگاه شاهد، تهران، ایران، پست الکترونیک:

Hamidhosseini90@yahoo.com

۲. استاد یار گروه ریاضی، دانشگاه شاهد، تهران، ایران

۳. استاد یار گروه زیست‌شناسی، دانشگاه شاهد، تهران، ایران

**مقدمه**

براساس ماهیت علم اکثر حوادث و اتفاقات طبیعی که در واقعیت آنها را لمس می‌کنیم به زبان ریاضیات می‌توان بیان کرد. این تبدیل زبان کمک می‌کند که از ابزارهای بی‌شماری که در علم ریاضی موجود است استفاده کنیم و در پی آن تحلیل‌ها و برنامه‌ریزی‌هایی را نتیجه‌گیری کنیم. مصرف مواد مخدر امروزه از جمله مشکلاتی است که به شدت رو به افزایش است و شیوع آن در میان جوامع بیش از گذشته باعث تحت تاثیر قرار گرفتن افراد دیگر جامعه به خصوص افراد سالم و پاک شده است. از آنجا که مصرف انواع مختلف مواد مخدر در مصرف کننده با بروز اختلالات روانی همراه است، این موضوع می‌تواند زمینه ساز ایجاد بسیاری از حوادث و جرائم مانند سوانح رانندگی، نزاع‌ها و سایر آسیب‌های اجتماعی در کشور شود. سطح مصرف مواد مخدر هر جامعه مفروضی در میان افراد آن جامعه یکسان نبوده و به عواملی مانند انعطاف‌پذیری افراد و اثر گذاری افراد معتاد بر دیگر نفرات جامعه بستگی دارد. در این پژوهش سعی شده تا یک مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل به کمک سیستم‌های شبکه‌ای گسته برای بررسی شیوع اعتیاد به مواد مخدر ارائه شود.

دلیل انتخاب مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل این است که در سال‌های اخیر نشان داده شده در مدل‌سازی ریاضی شیوع بیماری‌های عفونی و ویروسی که از نظر همه گیرشناختی و گسترش مشابه با اعتیاد هستند، مدل‌های معادله دیفرانسیل و معادله انتگرال-دیفرانسیل پر کاربرد بوده‌اند (مدلاک، و کات، ۲۰۰۳<sup>۱</sup>). با توجه به اینکه اعتیاد دارای برگشت‌پذیری است و فرد مبتلا به آن بعد از بهبودی نسبت به ابتلا مجدد این نخواهد بود، این ویژگی برگشت‌پذیری برای بیماری‌های مشابه با اعتیاد فقط توسط مدل‌های معادله انتگرال-دیفرانسیل قابل مدل‌سازی می‌باشدند (فن دن دریشه، و زو، ۲۰۰۷). لازم به ذکر است، در حالی که مصرف مواد مخدر و وابستگی افراد به آن بیماری مدنظر می‌باشد ولی شیوع و اپیدمیولوژی آن به وضوح متفاوت از شیوع در بیماری‌های عفونی و ویروسی مانند سرخک، آنفلانزا و ... می‌باشد. تاکنون در ارتباط با شیوع مصرف مواد مخدر مدل ریاضی

۲۵۶

256

سال دهم شماره ۴۰ زمستان ۱۳۹۵  
Vol. 10, No. 40, Winter 2017

مشابهی ارائه نشده است. اما در این خصوص تحقیقات مشابهی در رابطه با شیوع مصرف الكل با روش مشابه مدل‌سازی ارائه شده است (براون، ویلسون، پلسکو، باچانان، گلیسون<sup>۱</sup>، ۲۰۰۶؛ ویلسون، باچانان، گلیسون، و براون، ۲۰۰۴؛ فرنچ، تیمور اوغلو، لویز، و براون<sup>۲</sup>، ۲۰۱۰). در منابع ذکر شده مدل شبکه‌ای گسته با تابع نرخ پایدار برای رفتار و شیوع این شرایط در یک جمعیت به همراه محاسبات ارائه شده است. در اینجا به منظور آزمایش پایداری (به‌طور تحلیلی) مدل‌های جدید ساده‌ای با الهام از مدل شبکه‌ای گسته ارائه و درنهایت یک مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل معرفی می‌شود. شرایط زیادی وجود دارند که در آن‌ها نشان داده شده، نفراتی از یک جمعیت می‌توانند بر میزان میل و رغبت افراد دیگر برای مصرف مواد مخدر تأثیرگذار باشند. در حقیقت، با بررسی مطالعات قبلی درمی‌یابیم که تأثیر و نفوذ نفراتی از یک جمعیت بر نفرات دیگر به معنی همان شیوع می‌باشد (فانک، سالاته، و جانسن<sup>۳</sup>، ۲۰۱۰). برای مطالعه بیشتر درباره تاریخچه مدل‌های موجود در مباحث اجتماعی خوانندگان را به منابع این پژوهش ارجاع می‌دهیم. اساساً، در

۲۵۷

257

این پژوهش به ارزیابی شاخص مصرف مواد مخدر توسط افراد و یا گروه‌هایی از جامعه پرداخته خواهد شد. به این منظور دینامیک‌های موجود در یک جامعه توسط عواملی مانند انعطاف‌پذیری، آمادگی نفرات آن جامعه و روابط اجتماعی آن‌ها مورد ارزیابی قرار خواهد گرفت. ساز و کار این مدل‌ها دارای گنجایشی برای شیوه‌سازی اثر مصرف کنندگان مواد مخدر به روی افراد پاک جمعیت می‌باشد (نقل از براون و همکاران، ۲۰۰۶).

## روش

مدل معادله دیفرانسیل پایه‌ای: نقطه شروع بررسی‌ها، معادله دیفرانسیل زیر است:

$$(1) \quad \frac{dv_i}{dt} = v_i(1 - v_i)(n_i - r_i)$$

این معادله دارای تابع نرخ پایداری است و در سیستم شبکه‌ای گسته مورد استفاده قرار می‌گیرد (براون و همکاران، ۲۰۰۶). در معادله (۱)، تابع ( $v_i(t)$ ) تابع ( $v_i$ ) احتمال بروز مشکلات مرتبط با مصرف مواد مخدر را برای فرد  $i$  در لحظه  $t$  مدل‌سازی می‌کند (مانند:

1. Braun, Wilson, Pelesko, Buchanan, & Gleeson

2. French, Teymuroglu, Lewis, & Braun  
3. Funk, Salathe, & Jansen

دستگیری، تصادف رانندگی، مشاجره و درگیری). فرض می‌کنیم مشکلات مرتبط با مصرف مواد مخدر برای یک شخص می‌تواند به جای کیفی بودن کمی در نظر گرفته شود. در اینجا همچنین اصطلاح پاک بودن افراد و یا معتاد بودن آنها (اعتیاد به یک یا چند نوع مخدر) را برای  $v_i$  درنظر می‌گیریم. از این پس اینتابع را به عنوان تابع اعتیاد معرفی می‌کنیم، این تابع از نوع توابع احتمالی می‌باشد و مقادیری بین اعداد صفر و یک را اختیار می‌کند. پس اگر فرد  $i$ ، پاک باشد  $0 \leq v_i$  و اگر فرد  $i$ ، معتاد باشد  $1 \leq v_i$  می‌شود.

تابع اثر ( $n_i(t)$ ) برای اندازه‌گیری تأثیر نفوذ افراد دیگر با درنظر گرفتن وزن‌های  $w_{ij}$  می‌باشد.

$$n_i(t) = \sum_j w_{ij} v_j(t),$$

به طوری که  $w_{ij} > 0$ ، اندازه ارتباط بین فرد  $i$  و  $j$  می‌باشد. همچنین فرض می‌شود که  $w_{ij}$  ها نرمال شده هستند ( $\sum_j w_{ij} = 1$  برای هر  $i$ )، علاوه بر این به جز یک حالت خاص می‌توانیم وزن‌های  $w_{ij}$  را متقاضی درنظر بگیریم ( $w_{ij} = w_{ji}$  برای هر  $j$  و  $i$ ). نیز  $r_i$  نیز انعطاف‌پذیری مربوط به فرد  $i$  می‌باشد ( $0 \leq r_i \leq 1$ ). هر اندازه  $r_i$  نزدیک به عدد یک باشد، فرد  $i$  آمادگی کمتری برای معتاد شدن دارد. ما در اینجا میزان انعطاف‌پذیری افراد را با ثابت  $\alpha$  نشان می‌دهیم. همچنین شرط اولیه

$$(2) \quad v_i(0) = g_i$$

برای تعیین مسئله و جواب آن لازم است.

مدل شبکه‌ای گستته: در منابع ذکر شده مدل شبکه‌ای گستته‌ای درنظر گرفته شده است که به نحوی میزان اعتیاد فرد  $i$  از مرحله زمانی  $m+1$  تا  $m$  را در یک شبکه بزرگ به صورت زیر مدل‌بندی می‌کند.

$$(3) \quad v_i^{m+l} - v_i^m = \lambda v_i^m (1 - v_i^m) (n_i^m - r_i) \quad n_i^m = \sum_j w_{ij} v_j^m.$$

در اینجا  $v_i^m$  میزان پاکی و سلامت فرد  $i$  در زمان  $t_m$  است که مقادیری بین اعداد صفر و یک را اختیار می‌کند و  $0 < \lambda$  یک نسبت ثابت می‌باشد. اگر فرض کنیم طول گام‌ها

کوچک باشند و همچنین زمان را از نو و دوباره مقیاس‌بندی کنیم آنگاه معادله دیفرانسیل (۱) به عنوان یک تقریب از معادله شبکه‌ای کامل و بزرگ بالا نتیجه می‌شود.

شیوه بیماری به روی شبکه‌ها، همواره یکی از موضوعات مهم مورد بحث و تحقیق علمی در گذشته و حال بوده است. بخصوص وقتی که اتصال‌ها و راه‌های ارتباطی بین نفرات جامعه (گره‌ها) در شبکه یا به صورت تصادفی و یا به صورت از پیش تعیین شده تعریف شده باشد. این منابع روابط زیر را پیشنهاد می‌کنند:

$$(4) \quad \lim_{m \rightarrow \infty} v_i^m = \begin{cases} 1, & \bar{v}_0 > \bar{r} \\ 0, & \bar{v}_0 < \bar{r} \end{cases}$$

در اینجا  $\bar{v}_0$ ، شاخص میانگین و اولیه اعتیاد می‌باشد و  $\bar{r}$  انعطاف پذیری میانگین است. زمانی که  $\bar{r} > \bar{v}_0$  باشد، جامعه شامل مصرف کنندگان اولیه مواد مخدر است و زمانی که  $\bar{r} < \bar{v}_0$  باشد، جامعه به طور تحمیلی رو به پاکی هدایت می‌شود.

در منبع براون و همکاران، (۲۰۰۶) یک الگوی درمانی ارائه شده است. آن‌ها فرض کرده‌اند که درصد کوچکی از افراد یک جمعیت با شاخصه‌های اعتیاد بالا می‌توانند درمان شوند. این نفرات ناسالم (با شاخصه اعتیاد بالا) برای یک دوره زمانی مشخص از جمعیت خود به منظور درمان حذف می‌شوند و آنگاه پس از درمان و رسیدن به پاکی به یک جمعیت کلی

با همان شاخصه اعتیاد مربوط به خودشان که حالا به میزان نصف سطح انعطاف پذیری شان کاهش یافته است، بازگردانده می‌شوند. همچنین با محاسبات عددی درمی‌یابیم که اگر به‌طور سخت‌گیرانه ۷٪ از جمعیت، با توجه به یک پایه و اساس منظم درمان شوند، کل جمعیت پاک می‌شوند. همین موضوع می‌تواند به عنوان یک الگوی بسیار سودمند در بازار پروری بیماران معتاد استفاده شود.

در بخش بعدی مجموعه‌ای از مدل‌های بسیار ساده برگرفته از مدل شبکه‌ای گستته را در نظر خواهیم گرفت این مجموعه شامل مدل‌های بسیار ساده و مهمی از جمله مدل تک متغیره، مدل معادله دیفرانسیل دو جمعیتی و مدل انتگرال-دیفرانسیل می‌باشد. در مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل اثر و نفوذ افراد دیگر جامعه به وسیله یک میانگین ساده محاسبه

می شود. همچنین در ادامه معرفی مدل‌ها، مدل جدیدی را به عنوان مدل جایگزین با استفاده از تابع هویسايد<sup>۱</sup> معرفی خواهیم کرد.

در بخش آخر مدل معادله انتگرال دیفرانسیلی به دست آورده شده را توسعی خواهیم داد. هدف اصلی از این توسعی قرار دادن مدل‌های گسته در یک چارچوب و قالب پیوسته می‌باشد. این توسعی را با استفاده از کانولوشن دو تابع  $\mathcal{V}$  و  $\mathcal{W}$  انجام خواهیم داد. بررسی و آزمایش این مدل پیوسته واقعی تر و کاربردی تر از مدل گسته قبلی می‌باشد. با کمک این مدل پیوسته امکان تحلیل عددی بیشتری به ریاضیدانان داده می‌شود تا با نتایج آن نسبت به شرایط واقعی تصمیم‌گیری کنند. لازم به ذکر است که فرض ما در این مقاله بر این است که جواب یکتایی برای معادله انتگرال-دیفرانسیل ارائه شده وجود دارد اما در اینجا اثباتی از وجود آن ارائه نکردیم. خوانندگان محترم می‌توانند برای مطالعه اثبات وجود جواب به منبع فرنچ و همکاران، (۲۰۱۰) مراجعه کنند.

### ابزار

مدل‌های الهام‌گرفته از شبکه‌های گسته: در این بخش همانطور که گفته شد سه مدل گسته بسیار ساده ارائه خواهیم کرد.

مدل پایدار مضاعف تک متغیره<sup>۲</sup>: فرض کنیم تمام افراد جمعیت از لحاظ تأثیرگذاری و انعطاف‌پذیری و مقدار تابع اعتیاد یکسان باشند (جمعیت همگن باشد) و همچنین این افراد با وزن ارتباطی مساوی با یکدیگر در ارتباط باشند. در این حالت معادله دیفرانسیل (۱) به مسئله مقدار اولیه زیر نسبت به زمان تبدیل خواهد شد.

$$\dot{v} = v(1-v)(v-r), \quad v(0) = v_0$$

لازم به ذکر است که صفر، یک و  $r$  نقاط ثابتی هستند و تابع نرخ  $(r-v)(v-v_0)$  بیانگر این موضوع است که هرگاه  $v > v_0$  باشد به دلیل کمبودن تابع اعتیاد از انعطاف‌پذیری تابع اعتیاد  $v$  به سمت صفر میل خواهد کرد (حالت پاکی) و هرگاه  $v < v_0$  باشد تابع اعتیاد  $v$  به سمت یک میل خواهد کرد (حالت اعتیاد). این نتایج دقیقاً با رابطه (۴) سازگار هستند.

مدل دو جمعیتی<sup>۱</sup>: مدل ساده دیگری که درنظر می‌گیریم شامل دو جامعه متفاوت از هم می‌باشد. برای شروع، جامعه مفروض مورد مطالعه را به دو گروه متفاوت تقسیم می‌کنیم. گروه اول شامل جمعیت بزرگی از افراد معتاد با شاخصه اعتیاد متوسط و گروه دوم شامل جمعیت کوچکی از افراد معتاد با شاخصه اعتیاد بالا که میل و رغبت زیادی به مصرف مواد مخدر دارند، است. در این حالت، مدل به صورت یک دستگاه معادلات دیفرانسیل معمولی به فرم زیر خواهد بود:

$$(5) \quad \dot{v}_1 = v_1(1 - v_1)(kv_1 + (1 - k)v_2 - r_1), \quad 0 \leq k \leq 1,$$

$$(6) \quad \dot{v}_2 = v_2(1 - v_2)(kv_1 + (1 - k)v_2 - r_2)$$

که:

$$(7) \quad v_1(0) = v_1^0, \quad v_2(0) = v_2^0.$$

در این مدل در حقیقت با دو جمعیت همگن سروکار خواهیم داشت.

فرض کنیم تابع اعتیاد  $v_2$  مجموعه کوچکی از افرادی هستند که میل زیاد به مواد مخدر و مصرف آن دارند، با این فرض  $v_1$  مابقی نفرات جمعیت را معرفی می‌کند. برای اینکه اثر نفوذ مصرف کنندگان مواد مخدر جمعیت مفروض روی نفرات دیگر قابل چشم پوشی باشد،  $k \cong 1$ .

لام به ذکر است که شرایط اولیه زیر در روند کار بسیار تعیین کننده هستند. در واقعیت هم میانگین وضعیت اولیه یک جمعیت در ابتدای کار حائز اهمیت است.

$$v_1(0) = v_1^0, \quad v_2(0) = v_2^0$$

به طوری که اگر اکثریت جمعیت با توجه به شرایط اولیه از ابتدا وابستگی زیادی به مصرف مواد مخدر داشته باشد ( $v_1^0 \rightarrow 1$ ) آنگاه کل جمعیت با گذشت زمان میل به مصرف بیشتر مواد مخدر پیدا می‌کنند. در غیر این صورت یعنی اگر شرایط اولیه اکثریت جمعیت از ابتدا مقدار کمی باشد ( $0 \rightarrow v_1^0$ ) آنگاه کل جمعیت با گذشت زمان میل به پاک شدن و سلامتی پیدا می‌کنند و از میزان آمادگی و رغبت‌شان به مواد کاسته می‌شود.

مدل میانگین اثر نفوذ افراد بر روی افراد دیگر جامعه؛ در اینجا فرض می‌کنیم تعداد  $J$  نفر وجود دارند که با وزن‌های  $w_i = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^J v_j$  ( $i = 1, \dots, J$ ) به یکدیگر متصل هستند و دارای انعطاف‌پذیری یکسان و ثابت  $r$  می‌باشند. در این صورت مدل معادله دیفرانسیل زیر را خواهیم داشت:

$$(8) \quad \frac{dv_i}{dt} = v_i(1 - v_i)(n_i - r), \quad n_i = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^J v_j, \quad i = 1, \dots, J.$$

با فرض  $v_i = v(x_i, t)$  و با تعریف  $\bar{x}_i = \frac{1}{J} \sum_{j=1}^J x_j$  در حالت حدی، معادله انتگرال-دیفرانسیل زیر را روی بازه  $[0, 1]$  در نظر می‌گیریم:

$$(9) \quad \frac{\partial v}{\partial t} = v(1 - v)(n - r)$$

که در آن

$$(10) \quad n(t) = \int_0^1 v(x, t) dx$$

معادله بالا را می‌توان به عنوان یک تقریب از معادله (8) در نظر گرفت. بلاfacسله می‌توانیم روابط زیر را که از مزایای این تقریب ساده در فضای پیوسته می‌باشد نتیجه بگیریم:

$$(11) \quad \lim_{t \rightarrow \infty} v(x, t) = \begin{cases} 1 & , \quad \int_0^1 v_0 dx > r, \\ 0 & , \quad \int_0^1 v_0 dx < r, \end{cases}$$

باز هم با کمی دقت مشاهده می‌کنیم که روابط بالا مشابه روابط (4) می‌باشند. اکنون با توجه به نحوه تعریف تابع  $n(t)$  (به عنوان یکتابع معلوم) و با درنظر گرفتن تابع اعتیاد  $\bar{x}$  در نقطه مشخص  $\bar{x}$  می‌توانیم معادله انتگرال دیفرانسیلی بالا را به صورت تفکیک شده به دست آوریم:

$$(12) \quad \int_{v_0(\bar{x})}^{v(\bar{x}, t)} \frac{du}{u(1-u)} = N(t)$$

که در آن

$$(13) \quad N(t) = \int_0^t (n(s) - r) ds$$

و بلاfacسله با حل آن بدست می‌آوریم:

$$(14) \quad v(\bar{x}, t) = \left( 1 + \frac{1 - v_0(\bar{x})}{v_0(\bar{x})} e^{-N(t)} \right)^{-1}$$

اگر در رابطه (۱۰) برای هر  $\bar{x} \in [0, 1]$  فرض کنیم  $v_0(\bar{x}) < 1$  باشد آنگاه خواهیم داشت  $0 \leq v \leq 1$ .

لازم به ذکر است که با انتگرال‌گیری از معادله (۹) نسبت به  $x$  یک معادله دیفرانسیل معمولی برای تابع  $n$  به دست می‌آوریم:

$$(15) \quad \frac{d}{dt} \left[ \int_0^1 v \, dx \right] = \left[ \int_0^1 v(1-v) \, dx \right] (n-r)$$

و یا فرض

$$(16) \quad \beta(t) = \int_0^1 v(1-v) \, dx.$$

خواهیم داشت:

$$(17) \quad \frac{d}{dt} (n-r) = \beta(n-r)$$

به طوری که  $\beta(t) \geq 0$  می‌باشد.

فرض کنیم  $\beta$  نامنفی و مفروض باشد، آنگاه می‌توانیم معادله دیفرانسیل خطی (۱۷) را

برای  $n-r$  بر حسب  $\beta$  حل کنیم و خواهیم داشت:

$$n(t) - r = (n(0) - r) e^{\int_0^t \beta(s) ds}$$

اکنون دو نتیجه می‌توانیم بگیریم:

الف: اگر فرض کنیم  $r > n(0)$  و لذا  $n(t) - r \geq n(0) - r$

آنگاه وقتی که  $t \rightarrow +\infty$  داریم:

$$\begin{aligned} e^{-N(t)} &= e^{-\int_0^t (n(s)-r) ds} \\ &\leq e^{-(n(0)-r)t} \rightarrow 0 \end{aligned}$$

بنابراین از (۱۰) نتیجه می‌گیریم که هرگاه  $t \rightarrow +\infty$  آنگاه  $1 \rightarrow v(\bar{x}, t) \rightarrow 0$

ب: اگر  $r < n(0)$  ، مانند روند بالا نتیجه خواهیم گرفت که هرگاه  $t \rightarrow +\infty$  آنگاه  $0 \rightarrow v(\bar{x}, t) \rightarrow 1$ .

در نتیجه رابطه (۱۱) ثابت می‌شود.

۲۶۳
263

مدل جایگزین<sup>۱</sup> جدید: حال مدلی را پیشنهاد می‌کنیم که شامل یک جایگزینی با تابع هویساشد وابسته به علامت تابع  $r_i - n_i$  می‌باشد. این مدل دینامیک و رفتار زمانی بلند مدت مشابه با دستگاه پایدار مضاعف (۳) را دارد. در این حالت داریم:

$$(19) \quad \frac{dv_i}{dt} = -H(r_i - n_i)v_i - H(n_i - r_i)(v_i - 1)$$

که:

$$(20) \quad n_i(t) = \sum_j w_{ij} v_j(t)$$

و  $H(s) = H(s)$  تابع هویساشد است.

$$\begin{cases} 1 & s > 0 \\ 0 & s \leq 0 \end{cases}$$

لازم به ذکر است اگر  $r_i < n_i$  باشد آنگاه  $\frac{dv_i}{dt} = -v_i$  بنابراین  $0 \rightarrow v_i \rightarrow v_i$  (پاکی). و اگر  $n_i > r_i$  باشد، آنگاه  $v_i - 1 \rightarrow v_i$  (اعتیاد). در هر صورت  $v_i$  نمی‌تواند بزرگتر از یک و یا کوچکتر از صفر باشد که مشابه موارد گفته شده در مدل پایدار مضاعف می‌باشد.

$$(21) \quad \text{در نهایت چون } 1 = H(r_i - n_i) + H(n_i - r_i) \text{ می‌دریابیم که:} \\ \frac{dv_i}{dt} = -v_i + H(n_i - r_i).$$

264

264

سال دهم شماره ۴۰، زمستان ۱۳۹۵  
Vol. 10, No. 40, Winter 2017

### یافته‌ها

مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل: در این بخش یک مدل معادله انتگرال-دیفرانسیل را با استفاده از مطالب بخش گذشته معرفی می‌کنیم. در واقع هدف از ارائه این مدل تعیین مدل شبکه‌ای گسته به صورت یک مدل پیوسته است. برای شروع با الهام از مدل شبکه‌ای گسته بخش قبل مدل انتگرال-دیفرانسیل زیر را پیشنهاد می‌کنیم.

$$(22) \quad \frac{\partial v}{\partial t} = v(1-v)(n-r).$$

در این مدل  $v(x, t) = v$  میزان پاکی افراد را در موقعیت  $x$  و زمان  $t$  نشان می‌دهد. مشابه آنچه که قبلاً بیان شده، اگر  $0 \cong v$  باشد فرد موردنظر پاک می‌باشد و همچنین افراد معتاد

با توجه به میزان اعتیادشان به مواد مخدر تابع اعتیادشان مقداری را بین صفر و ۱ اختیار می‌کند. واضح است که نفرات معتاد با میزان وابستگی بالا به مواد مخدر، تابع اعتیاد نزدیک به ۱ دارند ( $v \approx 1$ ).

تابع  $n(x, t) = n$  هم میزان تأثیر و نفوذ دیگر افراد در ارتباط با افراد را در موقعیت  $x$  و زمان  $t$  نشان می‌دهد که برابر با کانولوشن دو تابع  $w$  و  $v$  می‌باشد.

$$(23) \quad n(x, t) = (w * v)(x, t) = \int_{-\infty}^{\infty} w(x - y) v(y, t) dy.$$

به طوری که  $w > 0$  تابع وزن یا ردپا<sup>۱</sup> ( $\int_R w ds = 1$ ) است. این تابع  $w(s) = w$  یک انعطاف‌ناپذیری انتقالی<sup>۲</sup> را به مدل تحمیل می‌کند که در حالت گستته وجود نداشت. همچنین فرض می‌کنیم که میزان انعطاف‌پذیری افراد نیز ثابت باشد ( $1 \leq r \leq 0$ ). برای کامل کردن مدل، نیاز به شرط اولیه  $v_0(., 0) = 0$  داریم.

اکنون جامعه ای از نفرات را در نظر می‌گیریم که به طور منظم بر روی خط اعداد حقیقی مرتب شده‌اند، به طوری که فرد در موقعیت مکانی  $i \Delta x = x_i$  ( $1 \ll \Delta x < 0$ ) قرار دارد. همانطور که اشاره شد فرض بر این است که ارتباط‌ها بین نفرات جامعه با تابع ردپا  $w$  مدل بندی شود. با قرار دادن  $w_{ij} = \Delta x w(x_i - x_j)$  آنگاه می‌توان تابع  $n_i(t)$  را در معادله (۱) به وسیله یک انتگرال تقریب کرد.

$$(24) \quad n_i = \sum_j w_{ij} v_j = \sum_j \Delta x w(x_i - x_j) v(x_j, .) \\ \cong \int w(x_i - y) v(y, .) dy = n(x_i, .).$$

شایان ذکر است که این مدل همانند مدل‌های (۱) و (۳) دارای این ویژگی می‌باشد که هر گاه نفرات جهت‌گیری خود را در هر دو مسیر پاکی و اعتیاد داشته باشند آنگاه کمتر مستعد پذیرش تأثیر از افراد دیگر جامعه (تحت تأثیر پارامتر  $v - 1$ ) می‌باشند.

### بحث و نتیجه‌گیری

براساس مدل ارائه شده تحلیل، برنامه‌ریزی، کنترل و ساماندهی پدیده شیوع مصرف مواد مخدر قابل مدل‌سازی ریاضی می‌باشد. براساس رفتار جامعه مفروض از مدل ریاضی

۲۶۵
265

طراحی شده پس از اعتبار سنجی جهت پیش‌بینی و تغییرات رفتار جامعه براساس تغییرات پارامترها استفاده می‌شود، همچنین با یک الگوی درمانی جامع و صحیح می‌توانیم افرادی را که دارای شاخصه اعتیاد بالا هستند در میان یک جمعیت پاک و سالم قرارداده و با گذشت زمان شاهد این هستیم که نفرات پاک آن جمعیت مفروض با اثر مثبت خود بروی نفرات معتاد توانسته‌اند میزان میل و دلیستگی آن‌ها به مصرف مواد مخدر را کاهش دهند. همچنین با استفاده از مدل ارائه شده می‌توان سرعت شیوع در میان افراد یک جامعه را تخمین زد. این موضوع با ابزارهای ریاضی پیشرفته مانند تقریب بواسیله معادلات دیفرانسیل با مشتقات جزئی قابل تحلیل عددی بیشتری است. همچنین لازم به ذکر است که مدل انتگرال-دیفرانسیل ارائه شده در این مقاله می‌تواند شروع خوبی برای علاقه‌مندان به مباحث ریاضی برای تحلیل‌های بیشتر باشد. تحلیل عددی مدل (۲۴) با روش‌های جدید و دقیق تر به عنوان کارهای تحقیقاتی جدید پیشنهاد می‌شود تا بتوان تحلیل‌های دقیق‌تری ارائه کرد.

### منابع

- Braun, R. J., Wilson, R. A., Pelesko, J. A., Buchanan, J. R., Gleeson, J. P. (2006). Applications of small word network theory in alcohol epidemiology. *Journal of Studies on Alcohol and Drugs*, 67(4), 591-599. DOI: 10.15288/jsa.2006.67.591.
- Braun, M. (1992). *Differential equation and their applications: An Introduction to Applied Mathematics (Texts in Applied Mathematics)* (v. 11), Fourth Edition, Springer, 67-80.
- French, D. A., Teymuroglu, Z., Lewis, T. J., Braun, R. J. (2010). An integro-differential equation model for the spread of alcohol abuse. *Journal of Integral Equations and Applications*, 22(3), 443-464.
- Funk, S., Salathe, M., Jansen, V. A. A. (2010). Modeling the influence of human behavior on the spread of infectious diseases: A review. *Journal of the Royal Society, Interface*, 7(50), 1247-1256. DOI: 10.1098/rsif.2010.0142.
- Hethcote, H. W. (2002). The mathematics of infectious diseases. *SIAM Review*, 42(4), 599-653.
- Medlock, J., & Kot, M. (2003). Spreading disease: Integro-differential equations old and new, *Mathematical biosciences*, 184(2), 201-222.
- Van den Driessche, P., Zou, X. (2007). Modeling relapse in infectious diseases. *Mathematical Biosciences*, 207(1), 89-103.
- Wang, J., Pang, J., Liu, X. (2014). Modeling diseases with relapse nonlinear incidence of infection: a multi-group epidemic model, *Journal of Biological dynamics*, 8(1), 99-116. DOI: 10.1080/17513758.2014.912682.
- Wilson, R. A., Buchanan, J. R., Gleeson, J. P., Braun, R. J. (2004). A network model of alcoholism and alcohol policy, *Proc. Mathematics Problems in Industry Workshop*.